

Caractérisation du génome complet du virus EBV et des miARNs viraux présents dans des prélèvements issus de lymphoadénopathies angioimmunoblastiques comparativement aux autres lymphomes par NGS

Doctorante : Racha BAHRI

Responsable au Liban : Prof. Fouad DABBOUSSI

Responsable en France : Prof. Sylvie ROGEZ

Laboratoire en France : Centre de Biologie et de recherche en santé(CBRS),

faculté de médecine, unité UMR CNRS 7276 CRIB

“Contrôle de la Réponse Immune B et Lymphoproliférations”

L'objectif général de cette thèse est de savoir si le virus Epstein Barr (EBV) joue un rôle **direct** dans la genèse des lymphomes T angioimmunoblastiques (LTAI) après avoir déterminé son rôle indirect dans leur progression via la sécrétion des cytokines et des chimiokines. Le projet se divise en deux parties, la première vise à séquencer le génome complet de l'EBV, ce qui permet de mettre en évidence des variations génomiques (indels, SNP et SNV) déjà décrites comme impliquées dans les lymphomes B. L'autre partie a pour but de séquencer les microARNs viraux vu qu'ils ont une importance dans la survie cellulaire et l'immortalisation. Cela nous permettra d'avoir la signature génomique et le profil de microARNs dans les LTAI, et donc en faire la corrélation avec la survenance des tumeurs T.

Mots clés : *Epstein Barr virus*, lymphome angioimmunoblastique, séquençage, NGS